



## 摘 要

海南尖峰岭热带山地雨林植物多样性极高，其中重要组成部分和典型代表包括棕榈科（*Arecaceae*）、夹竹桃科（*Apocynaceae*）和番荔枝科（*Annonaceae*），了解这三科根部细菌的多样性，有助于深入认识热带山地雨林地下微生物群落和地上植物群落的关联性。

本研究采集了尖峰岭热带雨林地区的棕榈科、夹竹桃科和番荔枝科植物根系，通过细菌 DNA 条形码技术进行细菌鉴定，初步获得棕榈科、夹竹桃科和番荔枝科植物根部细菌的多样性信息，共检测出 12 门 19 纲 40 目 53 科 54 属。研究表明三种植物根部细菌在群落结构及多样性方面差异并不显著，变形菌门（*Proteobacteria*）、放线菌门（*Actinobacteria*）和酸杆菌门（*Acidobacteria*）这三门因在整个细菌类群中相对丰度所占比例总和超过 90% 占绝对优势， $\alpha$ -变形菌纲（*Alphaproteobacteria*）、根瘤菌目（*Rhizobiales*）、慢生根瘤菌科（*Bradyrhizobiaceae*）和慢生根瘤菌属（*Bradyrhizobium*）在纲、目、科、属的分类水平上占绝对优势，可以看出具有固氮功能的细菌占主导作用。

本研究不仅展示了棕榈科、夹竹桃科和番荔枝科植物根部细菌的多样性，同时简要统计了根部细菌同源序列的地理分布。研究表明，寄主植物对海南岛热带森林根部细菌群落结构的形成起着关键作用。

**关键词：**尖峰岭；根部细菌；多样性；细菌地理学

以上内容仅为本文档的试下载部分，为可阅读页数的一半内容。如要下载或阅读全文，请访问：

<https://d.book118.com/078021025121006135>

